

Phylogene est une société de service en R&D proposant des analyses « omiques » protéomique et génomique ainsi que l'analyse bioinformatique et biologique associée. Pour cette activité nous recherchons :

### **Un bioinformaticien/biostatisticien biologiste**

Pour rejoindre notre équipe en support des analyses omiques.

#### **La mission est de :**

- Traiter et analyser les résultats, issus des techniques omiques produites au laboratoire ou à l'extérieur,
- Extraire, charger et transformer des données à partir de bases de données publiques ou propriétaires, pour en générer de nouvelles selon des thématiques d'intérêt, ou réaliser des annotations biologiques fonctionnelles,
- Effectuer des analyses pour arriver à la compréhension des résultats d'un point de vue fonctionnel et biologique,
- Rédiger et gérer les comptes-rendus, la communication des résultats et leur discussion avec leur client, tout en maîtrisant les spécifications, les coûts et les délais,
- Rechercher ou développer de nouvelles techniques pour l'analyse et l'interprétation fonctionnelles et la visualisation des résultats d'analyses omiques.
- Participer aux travaux concernant les projets de recherche européens internes, dont beaucoup à l'international,
- Participer à la gestion active du laboratoire et du SMQ sous l'autorité de la Directrice du Laboratoire.

#### **Votre qualification idéale :**

M.Sc. ou Ph.D. en Bioinformatique ou biologie, biochimie, vous connaissez les outils et des bases de données relevant pour votre mission tels que la GeneOntology, BioCyc, UniProt, NextProt, KEGG, WikiPathway..., les tests d'enrichissement et les outils les utilisant tels que DAVID, String, GOrilla, WebGestalt..., les outils de manipulation de texte tels que les expressions régulières, ou avez la capacité de vous les approprier rapidement. Vous avez une connaissance de la biologie et du métabolisme humain nécessaire pour générer les discussions des traitements de données.

Une expérience des langages de script (Python, R, PERL, ...), la connaissance ou l'expérience d'outils tels que Galaxy, Bioconductor, Ingenuity Pathways et ou Cytoscape..., une expérience dans l'utilisation des méthodes classiques de statistiques et dans les concepts modernes tels que les statistiques Bayésiennes et le machine learning, une expérience ou un attrait pour les techniques multi-omiques et méta-omiques seraient des plus.

#### **Compétences et aptitudes souhaités :**

Vous connaissez les défis d'une petite entreprise et vous recherchez de réels challenges. Vous êtes enthousiaste et dynamique et avez une passion pour l'innovation et la résolution des problèmes et verrous technologiques. Vous avez à cœur de travailler en équipe et n'hésitez pas à communiquer et interagir avec vos collègues, vos supérieurs et vos clients. Vous maîtrisez **l'orthographe française et anglaise, vous parlez anglais couramment.**

**Merci d'envoyer un CV, lettre de motivation incluant les prétentions salariales** sous référence BB  
**par e-mail** à : [hconstantin@phylogene.com](mailto:hconstantin@phylogene.com)  
ou par courrier à l'adresse suivante sous référence BB :  
**Phylogene, Hélène Constantin**, 62 Route Nationale 113, 30620 Bernis

web : [www.phylogene.com](http://www.phylogene.com) LinkedIn : <https://www.linkedin.com/company/phylogene>  
<http://ms.phylogene.com> Twitter : [https://twitter.com/Phylogene\\_One](https://twitter.com/Phylogene_One)